

2024年度（後期） 東京農業大学生物資源ゲノム解析センター
「生物資源ゲノム解析拠点」共同研究公募要項

東京農業大学生物資源ゲノム解析センターは、生物資源ゲノム解析拠点として2019年4月に共同利用・共同研究拠点の再認定を受けました。本拠点では、本学教員との共同研究課題において、次世代シーケンサーを用いた遺伝情報解析研究を推進し、農学分野を中心とした新たな研究の展開を目指します。

以下の要領で、共同研究を公募します。

（なお、文科省による拠点認定の最終年度となるため、実験期間が短くなりますので十分ご注意ください。）

ホームページ： <http://www.nodai-genome.org/gabase/index.html>

※なお、本公募に関する説明会をリモート形式によるオンラインで実施する予定です。日程・参加方法等の詳細はホームページをご確認下さい。

1. 対象となる研究テーマ

次世代シーケンサーを利用した新しい農学研究分野を開拓するための共同研究。

2. 申請資格者

申請をおこなう研究代表者は、国公立大学、公的研究機関および民間企業等に所属し、当該分野の研究に従事する教員・研究者（学振PD研究員も含む）とします。また、科研費等で雇用された博士研究員も研究代表者として申請することは可能ですが、採択通知後に所属研究室の代表者の承諾書を別途ご提出していただく必要があります。なお、大学院生・大学学部生が研究代表者として申請することはできませんが、研究メンバーとして参加することは可能です。

3. 研究期間

2024年10月1日～2025年1月31日（予定：例年より短期間になります。）

4. 課題区分

以下のとおり、2区分を設定します。どちらも次世代シーケンサーを活かして農学分野を中心とする課題とします。

一般課題： ショートリードを主に使用する課題で、次世代シーケンサーの実績有無は問いませんが、自身の研究を進展させ、成果に結びつくことが期待される研究課題。

ロングリード課題： 主にゲノム解析を目的にロングリード（ナノポア）のデータを使用する課題。ただし、必要に応じ、ショートリードデータと合わせて解析することも可能。

なお、一人の代表者が、両区分に申請することは可能ですが、採択となる場合は一方のみとなります。また、申請者による優先順位設定はできません。

5. 申請方法

(1) 申請書（研究計画書を含む）の様式は、ホームページのリンクからダウンロードしてご使用下さい。なお全ての記載項目が審査の判断材料となりますので、提出の際は、記入漏れ等の不備が無いことを十分にご確認していただけますようお願いいたします。

また、以下を参考のうえ申請書を作成して下さい。なお、ご不明がある場合は、本公募要項の最後に示すオンライン説明会にご参加いただくか、センター宛お問い合わせ下さい。

- 各シーケンサーのパフォーマンス

<http://www.nodai-genome.org/machine.html>

- 申請書作成に当たっての注意点、解析規模の目安、過去に実施した解析の規模(RNA-seq の場合)

<http://www.nodai-genome.org/gabase/detail.html>

- 過去の採択課題一覧

<http://www.nodai-genome.org/gabase/list.html>

(2) 申請にあたり、共同研究者となる本学教員を記入頂きます。当該の教員と事前に研究計画・体制の詳細を打合せのうえご申請ください。また、当該の教員から、共同研究の承諾について当センター宛てにメールを送って頂くよう依頼して下さい。（件名：2024年度（後期）申請承諾、本文：以下の共同研究申請について承諾します。課題名と代表者所属・氏名をお書き下さい。）なお、本学共同研究者に関してご相談がある場合は、センター宛てに（kyoten-g@nodai.ac.jp）2024年8月1日（木）までにお問い合わせいたします。

(3) 本公募では、39歳以下もしくは学位取得後8年未満（産前・産後の休暇、育児休業の期間を除く）を「若手研究者」とします。申請者および共

同研究者の中に該当者が含まれる場合には標記して下さい。さらに、申請者で次世代シーケンサーの経験がない場合、こちらも併せて標記して下さい。(申請書 項目 2)

(4) 次世代シーケンサーを受託するサービスが増えてきています。課題が採択された場合には経費支援も含まれますので、それらを利用せず、本拠点を申請する理由を共同研究内容の視点から記載して下さい。(申請書 項目 3)

(5) 以前に採択課題があり、申請時点で学術論文として成果報告をされていない場合は、それに関する進捗状況と今後の予定を詳細にご記入ください。

(申請書 項目 6)

(6) 採択にあたり、研究内容、組織等についてこちらからご提案や、条件がつく場合があります。例えば、申請に含まれていない研究者との共同研究提案などがあります。

6. 申請書提出期限

2024年8月21日(水)まで(必着)にPDFファイルに変換して下記宛にメール添付でお送り下さい。

E-mail: kyoten-g@nodai.ac.jp

件名に「共同研究申請：代表者氏名」とお書き下さい。

※なお、印刷された書類による提出は不要です。

7. 採択結果

審査は運営委員会において行い、2024年9月下旬ごろに、申請者へ内定の通知を行う予定です。その後、各種条件等を確認の上、最終的に採択となります。なお、採択内容については、申請・審査状況を踏まえ件数等の変更が起こる可能性があります。

採択予定数： 一般課題 数件程度

ロングリード課題 1~2件程度

審査においては、

1. 研究テーマ、目的の新規性、重要性、独創性
2. 研究テーマの農学分野との関連性
3. 実験計画が目的達成につながる内容になっているか

4. サンプルの準備状況（採択の場合、想定通り準備が可能であるか。最終期のため、試料送付締切は11月末頃を予定しています。申請にあたり留意してください。）
5. 予算の妥当性（3. と関連）
6. 継続の場合、継続の必要性、発展性

を中心に判断を行いますが、最終的に以下の観点を優先的に考慮した採択も数件行う予定です。

- ・新規申請者（特に NGS の未経験者）
- ・若手研究者（研究者が所属するグループの状況も加味することがあります）
- ・研究資金が限られている（申請と関係が無いプロジェクトでの取得、あるいは申請者が所属する研究グループでの取得状況も加味することがあります）
- ・NGS を用いた技術開発（応用法の開発も含む）を目的とする課題

一方で、採択の優先度が下がる可能性がある場合として、以下が含まれます。

- ・過去に複数回の採択実績があるが、その成果が未発表の場合
- ・多くの競争的資金を得ている場合
- ・本学の特定の共同研究者に採択が偏る場合

8. 共同研究報告書の提出

採択となった研究課題の研究代表者は、研究終了後に最終報告書を所定の書式で提出していただきます。

9. 研究成果発表と情報公開

- (1) 研究代表者・採択課題名については、ホームページ上などで公開します。また、年度末に当センター発行のニューズレターにて研究紹介をしていただきます。
- (2) 採択研究課題の成果発表については共同研究による成果として、本学教員、センター研究員を共著者として頂きます。成果のマスコミ等への掲載についても同様となります。またその他、拠点のシンポジウム、広報等にご協力いただきます。

(3) 論文や学会発表等においては、本拠点の利用について謝辞への記載をお願いいたします。

(4) 民間企業でも成果公開が前提となりますのでご注意ください。

10. 知的財産権の取り扱い

東京農業大学知的財産関連規則等を準用します。

11. 個人情報の取り扱い

お送りいただいた個人情報は審査に関わる目的以外には使用しません。

本公募における共同研究を検討される場合の問い合わせにつきましては、末尾にあるメールアドレスをお願いいたします。

なお、土日祝日の他、2024年8月6日から2024年8月18日は大学業務休止期間のため、問い合わせへの対応はできませんので、予めご了承ください。

オンライン説明会

本公募の説明会をリモート形式で次のとおり2回実施します。

【日 程】

1回目： 2024年7月23日(火) 13:00～

申込締切：2024年7月19日(金)

2回目： 2024年7月24日(水) 13:00～

申込締切：2024年7月22日(月)

【参加方法】

リモート形式によるオンライン説明会となるため、各自でネットワーク環境とPC等の端末をご準備ください。アクセス先のURL、ID、パスワード等に関しては、事前申込された方へ通知致します。申込締切日までに以下のフォームからお申し込み下さい。

<https://forms.gle/sdZ78ZdU29XJ7jxz5>

連絡、書類送付先

東京農業大学

生物資源ゲノム解析センター

事務担当宛

〒156-8502 東京都世田谷区桜丘 1-1-1

TEL 03-5477-2719, FAX 03-5477-2377

E-mail: kyoten-g@nodai.ac.jp (できるだけ E-mail でお願いいたします。)